To: (10)(2e) [(10)(2e) @rivm.nl]
Cc: (10)(2e) [(10)(2e) @nivel.nl]; (10)(2e) [(10)(2e) @rivm.nl]; (10)(2e) (10)(2e) [(10)(2e) @rivm.nl]; (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) [(10)(2e) @rivm.nl]; (10)(2e) [(10)(2e) @rivm.nl]; (10)(2e) [(10)(2e) @rivm.nl]; (10)(2e) (10)(2e) [(10)(2e) @rivm.nl]
From: (10)(2e)
Sent: Mon 5/25/2020 12:20:11 PM
Subject: RE: [Spam] New H2020 call COVID: Pan-European cohort, deadline 21 June
Received: Mon 5/25/2020 12:20:12 PM

Het lijkt mij zeker de moeite waard om deze weg in te slaan om elk geval te kijken of het kan. Zeker omdat dit follow-up mogelijk zou maken en dit de mogelijkheid zou bieden om de vragenlijsten flexibel in te richten. Niet onbelangrijk nu met Covid19, aangezien er in rap tempo steeds nieuwe inzichten bij komen, waarop je de vragenlijsten dan liefst wilt kunnen aanpassen.

Essentieel is dus dat we vanuit Unilab een lijntje met versleutelde BSN en monsternummer kunnen leggen naar ZorgTTP. (10)(2e) hoe kijk jij hier tegenaan?

Groeten,
(10)(2e)

From: (10)(2e) < (10)(2e) @nivel.nl>
Sent: vrijdag 22 mei 2020 15:10
To: (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e)) (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>
Subject: [Spam] RE: [Spam] New H2020 call COVID: Pan-European cohort, deadline 21 June

Hoi collega's

Vrij essentieel punt in dit potentiele voorstel, maar ook de risk factor studie van I-MOVE-COVID-19 en langskomende 'gegevensaanvragen' van andere onderzoekers, is het verzamelen van extra informatie naast het monsterformulier en de follow-up van patienten. Op dit moment zijn de verzamelingen bij Nivel en RIVM volledig gescheiden en kunnen niet gekoppeld worden, tenzij daar tevoren expliciet toestemming om wordt gevraagd aan de patient, maar zo is de respiratoire surveillance niet opgezet. Theoretisch zou een koppeling mogelijk moeten zijn denk ik, maar ik weet niet of dit privacy technisch helemaal in orde is. In het tijdsvak waarin RIVM over het BSN van de bemonsterde patienten mag beschikken (vanwege communicatie over de uitslag), zou een lijntje gelegd kunnen worden van RIVM naar ZorgTTP, waarbij het BSN onderweg versleuteld wordt (wij noemen dat de PVM – privacy verzendmodule). De TTP ontvangt dan een versleuteld BSN (die willen en mogen het echte BSN ook niet hebben) en het RIVM monsternummer. De TTP zet het versleutelde BSN om in het Nivel patientpseudoniem en daarmee kunnen wij gegevens aan onze kant van die patient opzoeken. Denk aan vervolgconsulten, voorgeschreven medicatie, andere co-morbiditeit dan gevraagd op monsterformulier. Het gaat er dus om dat eenmalig een Nivel pseudoniem bij de TTP wordt gemaakt icm het monsternummer van UNILAB (of een pseudoniem daarvan) in het tijdvak dat RIVM formeel mag beschikken over het BSN. Na communicatie over de uitslag van het monster mag het BSN en NAW immers niet meer gebruikt worden.

Ook beschikken we bij het Nivel voor de Peilstations over de zogenoemde 'vragenlijstmodule'. Daarmee kunnen we de huisartsen van de Peilstations vragenlijsten voorleggen, voor aanvullende informatie of omstandigheden. Daarmee zou je bijv. follow-up kunnen realiseren of meer informatie over de patient kunnen vragen (omdat het monsterformulier direct moet worden ingevuld – het moet immers mee met het monster – moet dat beperkt blijven tot de meest essentiele vragen). Die vragenlijstmodule werkt als volgt: er wordt een online vragenlijst klaargezet voor huisarts X over patient A (Nivel pseudoniem). De huisarts krijgt een e-mail met de link naar die vragenlijst. Maar als de huisarts op die link klikt en de vragenlijst opent, dan zorgt de TTP ervoor dat de huisarts op dat moment ziet dat het om patient 8349 gaat (nummer waaronder de patient bij de huisarts in zijn eigen systeem bekend is). De huisarts vult de vragenlijst in op een moment dat het hem/haar uitkomt en bij opslaan en afsluiten zien wij op het Nivel dat de vragenlijst is ingevuld. Na controle worden de gegevens doorgesluisd naar de database.
Wat er precies in de vragenlijst staat kan flexibel door ons worden bepaald/aangepast.

Lang verhaal kort: als wij met dit H2020 voorstel mee zouden willen doen of een ander voorstel waarvoor meer info nodig is dan we nu verzamelen voor de respiratoire surveillance, zouden jullie dan iets zien in zo'n koppeling tussen ons beider dataverzamelingen? Natuurlijk nog niet zeker of dit zou kunnen, maar als we dit sowieso niet willen dan heeft het ws. ook niet veel zin om mee te doen met een cohort studie.

Groetjes, (10)(2e)

Van: (10)(2e) [(10)(2e) @rivm.nl]
Verzonden: vrijdag 22 mei 2020 14:38
Aan: (10)(2e) ; (10)(2e)) (10)(2e) ; (10)(2e) ; (10)(2e) ; (10)(2e) ; (10)(2e) ; (10)(2e) ; (10)(2e) ; (10)(2e)
Onderwerp: RE: [Spam] New H2020 call COVID: Pan-European cohort, deadline 21 June

Lijkt me een goed idee om mee te doen, zeker als Epiconcept weer wil trekken qua voorstel schrijven en indienen *?

From: (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>
Sent: vrijdag 22 mei 2020 14:31
To: (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e)) (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>
Subject: FW: [Spam] New H2020 call COVID: Pan-European cohort, deadline 21 June

Willen we hier eventueel aan meedoen? Gaat om grote cohorten, maar in feite vormen de praktijkpopulaties van Nivel peilstations al een cohort.
Samenwerking buiten Europa is ook de bedoeling, misschien kan/wil (10)(2e) CDC meedoen.

From: (10)(2e) < (10)(2e) @epiconcept.fr>
Sent: donderdag 21 mei 2020 17:26
To: (10)(2e) < (10)(2e) @phe.gov.uk>; (10)(2e) < (10)(2e) @phe.gov.uk>; (10)(2e) < (10)(2e) @phe.gov.uk>; (10)(2e) < (10)(2e) @iplesp.upmc.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @aphp.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @iplesp.upmc.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @univ-corse.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @aphp.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @aphp.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @chu-lyon.fr>; (10)(2e) ((10)(2e) @chu-rennes.fr) < (10)(2e) @chu-rennes.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @aphp.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @chu-montpellier.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @aphp.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @gmail.com>; (10)(2e) < (10)(2e) @gmail.com>; (10)(2e) < (10)(2e) @gmail.com>; (10)(2e) < (10)(2e) @yahoo.com>; (10)(2e) @CANTACUZINO.RO; (10)(2e) < (10)(2e) @isciii.es>; (10)(2e) < (10)(2e) @isciii.es>; (10)(2e) < (10)(2e) @isciii.es>; (10)(2e) < (10)(2e) @isciii.es>; (10)(2e) (ISP) < (10)(2e) @navarra.es>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @rivm.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @nivel.nl>; (10)(2e) < (10)(2e) @hse.ie>; (10)(2e) < (10)(2e) @hse.ie>; (10)(2e) (NHS National Services Scotland) < (10)(2e) @nhs.net>; (10)(2e) (NHS NATIONAL SERVICES SCOTLAND) < (10)(2e) @nhs.net>; (10)(2e) (NHS FIFE) < (10)(2e) @nhs.net>; (10)(2e) , (10)(2e) (NHS NATIONAL SERVICES SCOTLAND) < (10)(2e) @nhs.net>; (10)(2e) < (10)(2e) @strath.ac.uk>; (10)(2e) (10)(2e) < (10)(2e) @vi-vi.org>; (10)(2e) < (10)(2e) @insa.min-saude.pt>; (10)(2e) < (10)(2e) @insa.min-saude.pt>; (10)(2e) < (10)(2e) @insa.min-saude.pt>; (10)(2e) < (10)(2e) @insa.min-saude.pt>; (10)(2e) < (10)(2e) @insa.min-saude.pt>; (10)(2e) < (10)(2e) @dgs.min-saude.pt>; (10)(2e) < (10)(2e) @folkhalsomyndigheten.se>; (10)(2e) < (10)(2e) @folkhalsomyndigheten.se>; (10)(2e) @gmail.com; (10)(2e) < (10)(2e) @gmail.com>; (10)(2e) < (10)(2e) @gmail.com>; (10)(2e) < (10)(2e) @santepubliquefrance.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @santepubliquefrance.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @santepubliquefrance.fr>; (10)(2e) (10)(2e) < (10)(2e) @santepubliquefrance.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @santepubliquefrance.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @pasteur.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @pasteur.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @phc.ox.ac.uk>; (10)(2e) < (10)(2e) @phc.ox.ac.uk>; (10)(2e) < (10)(2e) @uzbrussel.be>; (10)(2e) @gmail.com
Cc: (10)(2e) (AMN) < (10)(2e) @epiconcept.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @epiconcept.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @epiconcept.fr>; (10)(2e) (CSU) < (10)(2e) @epiconcept.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @epiconcept.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @epiconcept.fr>; (10)(2e) < (10)(2e) @epiconcept.fr>
Subject: [Spam] New H2020 call COVID: Pan-European cohort, deadline 21 June

Dear all, following my previous email, we have to decide quite soon (before Monday) if we respond as I-MOVE-COVID

Consortium to this call (I copy at the end of the message the text of the call). Extremely challenging but, before discarding it, we believe it is worth asking your views as this could be an excellent opportunity to reinforce the I-MOVE-COVID-19 network.

Bullet points of what we can propose (but ideas welcome)

Strengthen I-MOVE-COVID by
- Increasing the number of hospitals, GPs and include some new countries
- Setting up a prospective follow up of COVID patients (GP and hospitals)
- Reinforcing the vaccine effectiveness study: funding for 4-5 years. Include a component of serology before and after vaccination.
- These activities would need recruitment of study monitors in each hospital/GP network.

Knowing how busy you all are, would it be possible to let us BEFORE MONDAY 21/05 if you think the call is relevant for I-MOVE and if we should submit a proposal.

- Big challenge: submission on 11 June.
- Opportunity to strengthen the network
- Preparation: in terms of administrative papers, we have all documents that you sent in February. We can work on the technical response and budget.
- Information to successful bidders: end of July. Start of action: end of August

Best regards

--
(10)(2e)

CALL H2020:
Specific Challenge:

The COVID-19 pandemic created an urgent demand for evidence-based innovative and rapid solutions to deal with health and health-related emergencies, to offer the best possible care to patients, and to protect the general population and the frontline health care staff. This expression of interest is to complement research efforts in the fight against the coronavirus, in particular projects resulting from the first H2020 expression of interest, which is currently addressing epidemiology and modelling, diagnostics, treatment, and vaccine. In parallel, Research and Innovation should without delay start analysing the lessons from the present crisis, in particular its impact on health and socio-economic aspects, and propose recommendations for being better prepared in the future if confronted with similar events.

Proposals submitted under this expression of interest are expected to establish new and/or build on existing large-scale cohorts to rapidly advance the knowledge on the control of the SARS-CoV-2 infection, develop evidence-based recommendations for effective prevention of the spreading, protection of the population in the coming months/years, and optimized treatment of the COVID-19 patients. The population-based cohorts should also inform on longer-term consequences of COVID-19 on health and well-being of individuals.

The population-based COVID-19 cohort should include non-infected and infected individuals. The cohort should be large enough to provide valid and reliable evidence and robust recommendations, and be suitable for the conduct of retrospective and prospective studies. The cohort should include both sexes, all ages, all conditions (healthy, pregnant, physical or mental disabilities, chronic disorders, infectious diseases, etc.), all clinical outcomes (from no symptom to mortality), as well as a large spectrum of different clinical management practices and treatments. The inclusion of individuals who are SARS-CoV-2-negative should enable a prospective follow up and an analysis of vaccination response when vaccines will be available.

The following aspects should be considered:

- The population-based cohort should allow to rapidly identify what risk and protective factors influence the

susceptibility to infection, clinical manifestation (asymptomatic, mild, severe, lethal), therapeutic response and clinical outcome in order to deliver evidence-based recommendations on the best strategies to control the spread of the virus and to protect the entire population. Essential factors to be considered might include the following: sex, age, genetics, viral variants, virus shedding, host-pathogen interactions, immune system, medication, previous vaccinations, deep phenotyping, microbiome, biomarkers, co-morbidities, co-infections, clinical events including clinical course of the COVID-19 infection, etc. Other variables could also be informative, such as environment, biodiversity, pollution, urban characteristics, climate, socio-economic determinants, disinformation, lifestyle, confinement measures, etc.

- The population-based cohort should allow to identify the most successful clinical management options and treatments since the start of the outbreak, from primary infection up to post-recovery multidisciplinary rehabilitation. The cohort should take stock of the evidence produced by large-scale studies and/or local practices in order to develop recommendations for optimized treatment and management of future patients.
- The population-based cohort should also assess in the short/medium/long-term the impact of COVID-19 and the varying mitigating national/regional measures on health, well-being and socio-economic factors of individuals. Issues to be considered might include the following: disruption of medical care, especially for chronic diseases (cancer, metabolic syndrome, CVD/Hypertension, etc.), mental health, employment, education, social interactions, etc.

The cohort should cover a wide geographical area in Europe and other parts of the world. Interaction with national and/or European biobanks could be of high relevance. Special attention should be given to harmonisation of data collection and standardisation of protocols, as well as to the adoption of common formats and models. Linking with data from electronic health records, disease registries and health insurance data could also be of high relevance. Where appropriate and likely to increase research impact, cloud-based collaborative portal, artificial intelligence and any other available ICT tool should be integrated[1]. Special attention should also be given to links with the newly established European COVID-19 research data sharing platform[2].

Collaboration is strongly encouraged with Members States of the European Union and Associated Countries to deliver results that are representative of the whole region. Worldwide international collaboration is strongly encouraged.

The cohort should liaise with the coordinated and support action on cohorts, which will be funded through this expression of interest, and large COVID-19 clinical trials. Collaboration among successful proposals and with the existing network of H2020 COVID-19 projects will be encouraged.

The Commission considers that proposals requesting a contribution from the EU of between EUR (10)(2a) would allow these specific challenges to be addressed appropriately. Nonetheless, this does not preclude submission and selection of proposals requesting other amounts.

Expected Impact:

- In the short-term, to provide robust evidence on the best strategies for the control the SARS-CoV-2 spread and the protection of the population, as well as the optimized clinical management and treatment of COVID-19 patients.
- In the medium/long-term, to evaluate the impact of vaccination and provide robust evidence on best vaccine options and strategies.
- In the short/long-term, to assess the impact of COVID-19 on health and its effects on socio-economic features of individuals and propose recommendations for the optimal management of future outbreak.

Cross-cutting Priorities:

Socio-economic science and humanities
Open Innovation
Gender

[1]Where relevant, proposals should consider the close collaboration with leading European supercomputing centres to use high-end computing, data and simulation resources in order to accelerate findings. In this

respect, the Supercomputing facilities in (10)(2e) and (10)(2e) are open to collaborate with any interested proposer or successful proposal. Other leading European supercomputer centres, such as the organisations hosting the PRACE Tier-0 supercomputers, may also be interested in such collaborations

[2]https://www.covid19dataportal.org/